

# Processus d'acquisition des données physico-chimiques, microbiologiques, biologiques et déchets

**Thème :**

**EAUX LITTORALES**

**Version :**

**1**



Les conditions d'utilisation de ce document Sandre sont décrites selon la licence *creative commons* ci-dessous. Elles indiquent clairement que vous êtes libre de :

- partager, reproduire, distribuer et communiquer cette œuvre,
- d'utiliser cette œuvre à des fins commerciales.

*The terms of use applicable to this document are described according to the licence creative commons below. It indicates that you are free to :*

- share, reproduce, distribute and communicate about this document,
- use this document for commercial puposes.



Chaque document Sandre est décrit par un ensemble de métadonnées issues du Dublin Core (<http://purl.org/dc>).

*Each Sandre document is described by a set of metadata coming from Dublin Core (<http://purl.org/dc>).*

Titre / <i>Title</i>	Processus d'acquisition des données physico-chimiques, microbiologiques, biologiques et déchets
Créateur / <i>Creator</i>	Système d'Information sur l'Eau / Sandre
Sujet / <i>Subject</i>	Eaux littorales
Description / <i>Description</i>	Données descriptives du processus d'acquisition des données physico-chimiques, microbiologiques, biologiques et déchets
Editeur / <i>Editor</i>	Ministère chargé de l'environnement
Contributeur / <i>Contributor</i>	Ifremer;OIEau;AFB
Date de Création/ <i>Creation date</i>	- 2010-04-29
Date de Modification / <i>Modification date</i>	- 2017-12-22
Date de Validation / <i>Validation date</i>	- 2017-12-22
Type / <i>Type</i>	Text
Format / <i>Format</i>	ODT; PDF
Identifiant / <i>Identifier</i>	urn:sandre:dictionnaire:sa_eli::1
Langue / <i>Language</i>	FR
Relation Est remplacé par / <i>Is replaced by</i>	
Relation Remplace / <i>Replace</i>	
Relation Référence / <i>Reference</i>	
Couverture / <i>Coverage</i>	France
Droits / <i>Rights</i>	© Sandre
Version / <i>Version</i>	1

Version 1	
03/01/11	Création du document
14/06/17	Erratum : Ajout du mot déchets au niveau de la définition du concept d'analyse et de l'intitulé du dictionnaire
04/12/17	Erratum : Changement de nomenclature 603->719 concernant les 2 attributs code de l'engin de l'analyse et code de l'engin de l'analyse sur taxon. Cette erreur apparaissait uniquement dans la définition du document au format Pdf. La structure XML était déjà bonne ; l'impact sur les échanges de données Sandre est donc nul. Révision de la définition de l'attribut Code de l'engin du prélèvement.
22/12/17	Erratum : <ul style="list-style-type: none"><li>- Rattachement aux dernières versions des dictionnaires appellation de taxon 2.1, Paramètres 3, dispositif de collecte 2.2 , Lieux de surveillance 2.1, intervenant 3</li><li>- La taille des attributs Niveau du prélèvement, Type d'acquisition des coordonnées XY du prélèvement, Type d'acquisition des coordonnées XY du passage, Code de l'engin du prélèvement augmente à 25 caractères</li><li>- Basculement de la nomenclature 600 à 202</li><li>- Amélioration visuelle du dictionnaire</li></ul>

Pour de plus amples renseignements sur le Sandre, vous pouvez consulter le site Internet du Sandre : <http://sandre.eaufrance.fr> ou vous adresser à l'adresse suivante :

Sandre - Office International de l'Eau  
sandre@sandre.eaufrance.fr  
15 rue Edouard Chamberland 87065 LIMOGES Cedex  
Tél. : 05.55.11.47.90 - Fax : 05.55.11.47.48

# I. TABLE DES MATIÈRES

<b>I.TABLE DES MATIÈRES.....</b>	<b>4</b>
<b>II.AVANT PROPOS.....</b>	<b>7</b>
<b>II.1.LE SYSTÈME D'INFORMATION SUR L'EAU ET LE SANDRE.....</b>	<b>7</b>
<b>II.2.CONVENTION DU DICTIONNAIRE DE DONNÉES.....</b>	<b>8</b>
<i>II.2.1.Notations dans le document.....</i>	<i>8</i>
<i>II.2.2.Description des concepts (entités).....</i>	<i>8</i>
<i>II.2.3.Description des informations (attributs).....</i>	<i>9</i>
<i>II.2.4.Les nomenclatures.....</i>	<i>10</i>
<b>II.3.FORMALISME DU MODÈLE ORIENTÉ OBJET.....</b>	<b>11</b>
<i>II.3.1.Comment lire le modèle de données ?.....</i>	<i>11</i>
<i>II.3.2.Représentation spatiale d'une entité.....</i>	<i>13</i>
<b>III.INTRODUCTION.....</b>	<b>15</b>
<b>IV.DIAGRAMME DES CLASSES.....</b>	<b>16</b>
<b>V.DICTIONNAIRE DES CLASSES .....</b>	<b>20</b>
<b>V.1.ANALYSE.....</b>	<b>20</b>
<b>V.2.ANALYSE SUR TAXON.....</b>	<b>21</b>
<b>V.3.APELLATION DU TAXON.....</b>	<b>22</b>
<b>V.4.DISPOSITIF DE COLLECTE.....</b>	<b>23</b>
<b>V.5.ECHANTILLON.....</b>	<b>23</b>
<b>V.6.FRACTION ANALYSEE.....</b>	<b>24</b>
<b>V.7.GROUPE D'APPELLATION TAXONOMIQUE.....</b>	<b>24</b>
<b>V.8.INTERVENANT.....</b>	<b>25</b>
<b>V.9.LIEUX DE SURVEILLANCE.....</b>	<b>26</b>
<b>V.10.METHODE.....</b>	<b>26</b>
<b>V.11.PARAMETRE.....</b>	<b>26</b>
<b>V.12.PASSAGE.....</b>	<b>26</b>
<b>V.13.PRELEVEMENT.....</b>	<b>27</b>
<b>V.14.STADE DE DEVELOPPEMENT.....</b>	<b>28</b>
<b>V.15.SUPPORT.....</b>	<b>29</b>
<b>V.16.UNITE DE MESURE.....</b>	<b>29</b>
<b>VI.DICTIONNAIRE DES ATTRIBUTS.....</b>	<b>30</b>
<b>VI.1.CODE DE L'ANALYSE.....</b>	<b>30</b>
<b>VI.2.CODE DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</b>	<b>30</b>
<b>VI.3.CODE DE L'ÉCHANTILLON.....</b>	<b>30</b>
<b>VI.4.CODE DE L'ENGIN DE L'ANALYSE.....</b>	<b>31</b>
<b>VI.5.CODE DE L'ENGIN DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</b>	<b>31</b>

<a href="#">VI.6.CODE DE L'ENGIN DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">31</a>
<a href="#">VI.7.CODE DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">32</a>
<a href="#">VI.8.CODE DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">32</a>
<a href="#">VI.9.COMMENTAIRE DE L'ANALYSE.....</a>	<a href="#">32</a>
<a href="#">VI.10.COMMENTAIRE DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</a>	<a href="#">33</a>
<a href="#">VI.11.COMMENTAIRE DE L'ÉCHANTILLON.....</a>	<a href="#">33</a>
<a href="#">VI.12.COMMENTAIRE DE LA QUALIFICATION DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</a>	<a href="#">33</a>
<a href="#">VI.13.COMMENTAIRE DE LA QUALIFICATION DU RÉSULTAT D'ANALYSE.....</a>	<a href="#">33</a>
<a href="#">VI.14.COMMENTAIRE DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">34</a>
<a href="#">VI.15.COMMENTAIRE SUR LA QUALIFICATION DE L'ÉCHANTILLON.....</a>	<a href="#">34</a>
<a href="#">VI.16.COMMENTAIRE SUR LA QUALIFICATION DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">34</a>
<a href="#">VI.17.COMMENTAIRE SUR PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">34</a>
<a href="#">VI.18.COMMENTAIRE SUR QUALIFICATION DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">35</a>
<a href="#">VI.19.COORDONNÉE X DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">35</a>
<a href="#">VI.20.COORDONNÉE X DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">35</a>
<a href="#">VI.21.COORDONNÉE Y DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">35</a>
<a href="#">VI.22.COORDONNÉE Y DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">36</a>
<a href="#">VI.23.DATE DE CONTRÔLE DE L'ANALYSE.....</a>	<a href="#">36</a>
<a href="#">VI.24.DATE DE CONTRÔLE DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</a>	<a href="#">36</a>
<a href="#">VI.25.DATE DE CONTRÔLE DE L'ÉCHANTILLON.....</a>	<a href="#">36</a>
<a href="#">VI.26.DATE DE CONTRÔLE DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">37</a>
<a href="#">VI.27.DATE DE CONTRÔLE DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">37</a>
<a href="#">VI.28.DATE DE QUALIFICATION DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</a>	<a href="#">37</a>
<a href="#">VI.29.DATE DE QUALIFICATION DE L'ÉCHANTILLON.....</a>	<a href="#">37</a>
<a href="#">VI.30.DATE DE QUALIFICATION DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">38</a>
<a href="#">VI.31.DATE DE QUALIFICATION DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">38</a>
<a href="#">VI.32.DATE DE QUALIFICATION DU RÉSULTAT D'ANALYSE.....</a>	<a href="#">38</a>
<a href="#">VI.33.DATE DE VALIDATION DE L'ANALYSE.....</a>	<a href="#">38</a>
<a href="#">VI.34.DATE DE VALIDATION DE L'ANALYSE DU TAXON.....</a>	<a href="#">39</a>
<a href="#">VI.35.DATE DE VALIDATION DE L'ÉCHANTILLON.....</a>	<a href="#">39</a>
<a href="#">VI.36.DATE DE VALIDATION DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">39</a>
<a href="#">VI.37.DATE DE VALIDATION DU PRÉL??VEMENT.....</a>	<a href="#">40</a>
<a href="#">VI.38.DATE DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">40</a>
<a href="#">VI.39.ECART TU DE L'HEURE DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">40</a>
<a href="#">VI.40.ECART TU DE L'HEURE DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">40</a>
<a href="#">VI.41.GÉOMÉTRIE DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">41</a>
<a href="#">VI.42.GÉOMÉTRIE DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">41</a>
<a href="#">VI.43.GRANDEUR OBSERVÉE DE L'ÉCHANTILLON.....</a>	<a href="#">41</a>
<a href="#">VI.44.GRANDEUR OBSERVÉE DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">41</a>
<a href="#">VI.45.HEURE DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">42</a>
<a href="#">VI.46.HEURE DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">42</a>
<a href="#">VI.47.MNÉMONIQUE DE L'ÉCHANTILLON.....</a>	<a href="#">42</a>
<a href="#">VI.48.MNÉMONIQUE DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">42</a>
<a href="#">VI.49.MNÉMONIQUE DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">43</a>
<a href="#">VI.50.NIVEAU DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">43</a>
<a href="#">VI.51.NOMBRE D'INDIVIDUS DE L'ÉCHANTILLON.....</a>	<a href="#">43</a>

<a href="#">VI.52.NOMBRE D'INDIVIDUS DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">43</a>
<a href="#">VI.53.NOMBRE D'INDIVIDUS DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">44</a>
<a href="#">VI.54.NOMBRE DE CHIFFRES APRÈS LA VIRGULE DU RÉSULTAT D'ANALYSE.....</a>	<a href="#">44</a>
<a href="#">VI.55.NOMBRE DE CHIFFRES APRÈS LA VIRGULE DU RÉSULTAT DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</a>	<a href="#">44</a>
<a href="#">VI.56.NUMÉRO DE L'INDIVIDU DE L'ANALYSE.....</a>	<a href="#">44</a>
<a href="#">VI.57.NUMÉRO DE L'INDIVIDU DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</a>	<a href="#">45</a>
<a href="#">VI.58.QUALIFICATION DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</a>	<a href="#">45</a>
<a href="#">VI.59.QUALIFICATION DE L'ÉCHANTILLON.....</a>	<a href="#">45</a>
<a href="#">VI.60.QUALIFICATION DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">45</a>
<a href="#">VI.61.QUALIFICATION DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">46</a>
<a href="#">VI.62.QUALIFICATION DU RÉSULTAT D'ANALYSE.....</a>	<a href="#">46</a>
<a href="#">VI.63.RÉSULTAT D'ANALYSE.....</a>	<a href="#">46</a>
<a href="#">VI.64.RÉSULTAT DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</a>	<a href="#">46</a>
<a href="#">VI.65.RÉSULTAT DE LA GRANDEUR DE L'ÉCHANTILLON.....</a>	<a href="#">47</a>
<a href="#">VI.66.RÉSULTAT DE LA GRANDEUR DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">47</a>
<a href="#">VI.67.RÉSULTAT DE LA PROFONDEUR AU PASSAGE.....</a>	<a href="#">47</a>
<a href="#">VI.68.TYPE D'ACQUISITION DES COORDONNÉES XY DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">47</a>
<a href="#">VI.69.TYPE D'ACQUISITION DES COORDONNÉES XY DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">48</a>
<a href="#">VI.70.TYPE DE PRÉCISION DU RÉSULTAT D'ANALYSE.....</a>	<a href="#">48</a>
<a href="#">VI.71.TYPE DE PRÉCISION DU RÉSULTAT DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</a>	<a href="#">48</a>
<a href="#">VI.72.TYPE DE PROJECTION DES COORDONNÉES XY DU PASSAGE.....</a>	<a href="#">49</a>
<a href="#">VI.73.TYPE DE PROJECTION DES COORDONNÉES XY DU PRÉLÈVEMENT.....</a>	<a href="#">49</a>
<a href="#">VI.74.VALEUR DE LA PRÉCISION DU RÉSULTAT D'ANALYSE.....</a>	<a href="#">49</a>
<a href="#">VI.75.VALEUR DE LA PRÉCISION DU RÉSULTAT DE L'ANALYSE SUR TAXON.....</a>	<a href="#">49</a>



## II. AVANT PROPOS

### II.1. Le Système d'Information sur l'Eau et le Sandre

Le domaine de l'eau est caractérisé par le grand nombre d'acteurs qui sont impliqués dans la réglementation, la gestion et l'utilisation des eaux : ministères avec leurs services déconcentrés, établissements publics comme les agences de l'eau, collectivités locales, entreprises publiques et privées, associations,... Tous ces acteurs produisent des données pour leurs propres besoins. La mise en commun de ces gisements d'information est une nécessité forte.

Le *Système d'Information sur l'Eau (SIE)* est formé par un ensemble cohérent de dispositifs, processus et flux d'information, par lesquels les données relatives à l'eau sont acquises, collectées, conservées, organisées, traitées et publiées de façon systématique. Sa mise en œuvre résulte de la coopération de multiples partenaires, administrations, établissements publics, entreprises et associations, qui se sont engagés à respecter des règles communes définies par voie réglementaire et contractuelle, depuis 1992.

Le Sandre (Service d'administration nationale des données et référentiels sur l'eau) a pour mission, d'établir et de mettre à disposition le *référentiel* des données sur l'eau du *SIE*. Ce référentiel, composé de spécifications techniques et de listes de codes libres d'utilisation, décrit les modalités d'échange des données sur l'eau à l'échelle de la France. D'un point de vue informatique, le Sandre garantit l'interopérabilité des *systèmes d'information* relatifs à l'eau et son environnement.

Le Sandre est organisé en un réseau d'organismes contributeurs au SIE qui apportent leur connaissance métier, participent à l'administration du référentiel et veillent à la cohérence de l'ensemble. Le *SNDE (Schéma national des données sur l'eau)*, complété par des documents techniques dont ceux du Sandre, doit être respecté par tous ses contributeurs, conformément au décret n° 2009-1543 du 11 décembre 2009.

La mise en place d'un langage commun pour les données sur l'eau est l'une des composantes indispensables du SIE, et constitue la raison d'être du Sandre, Service d'Administration Nationale des Données et des Référentiels sur l'Eau. Le Sandre est chargé :

- d'élaborer les dictionnaires des données, d'administrer les nomenclatures communes au niveau national, d'établir les formats d'échanges informatiques de données, de définir des scénarios d'échanges et de standardiser des services WEB,
- de publier les documents normatifs après une procédure de validation par les administrateurs de données Sandre et d'approbation par le groupe Coordination du Système d'Information sur l'Eau.
- d'émettre des avis sur la compatibilité au regard des spécifications

Les dictionnaires de données sont les recueils des définitions qui décrivent et précisent la terminologie et les données disponibles pour un domaine en particulier. Plusieurs aspects de la donnée y sont traités : sa signification ;

- les règles indispensables à sa rédaction ou à sa codification ;
- la liste des valeurs qu'elle peut prendre ;
- la ou les personnes ou organismes qui ont le droit de la créer, de la consulter, de la modifier ou de la supprimer...

A ce titre, il rassemble les éléments du langage des acteurs d'un domaine en particulier. Le Sandre a ainsi élaboré des dictionnaires de données qui visent à être le langage commun entre les différents acteurs du monde de l'eau.

## II.2. Convention du dictionnaire de données

### II.2.1. Notations dans le document

Les termes DOIT, NE DOIT PAS, DEVRAIT, NE DEVRAIT PAS, PEUT, OBLIGATOIRE, RECOMMANDE, OPTIONNEL ont un sens précis. Ils correspondent à la traduction française de la norme RFC2119 ([RFC2119](#)) des termes respectifs MUST, MUST NOT, SHOULD, SHOULD NOT, MAY, REQUIRED, RECOMMENDED et OPTIONAL.

Chaque document publié par le Sandre comporte un numéro de version évoluant selon les règles suivantes :

Exemple n° de version	Statut du document
1.1 , 2.3 <i>Indice composé uniquement d'un nombre réel <math>\geq 1.0</math></i>	Version approuvée par l'ensemble des acteurs en charge de sa validation, publié sur le site internet du Sandre et est reconnue comme un document de référence
0.2 ou 1.2beta <i>Indice est composé d'un nombre réel <math>&lt; 1.0</math> ou bien <math>\geq 1.0</math> avec la mention « beta »</i>	Version provisoire, document de travail susceptible de subir des révisions jusqu'à sa validation définitive

### II.2.2. Description des concepts (entités)

Chaque concept du dictionnaire de données, dénommé entité, est décrit par un texte proposant une définition commune ainsi que ces règles de gestion. Cette définition peut être complétée par des règles relatives à la codification de cette entité ou des responsabilités de gestion.

En outre, pour chaque concept, il est précisé :

- Les informations qui caractérisent l'entité (attributs),
- Les associations avec d'autres entités
- Les entités qui héritent de ce concept (entités filles) ,
- Le concept parent d'un éventuel héritage (entité mère),



### II.2.3. Description des informations (attributs)

Chaque information du dictionnaire de données, dénommée attribut par la suite du document, correspond à un élément d'information de base utilisé par les entités. Chaque attribut est décrit par : un texte précisant sa définition, ses règles de gestion, la liste éventuelle de valeurs possibles administrées par le Sandre ou un organisme tiers, et les responsabilités en matière d'administration et de gestion des données.

Chaque attribut peut être complété par des métadonnées descriptives :

- Un texte précisant sa définition et les éventuelles règles de gestion s'y rapportant
- Le nom de la balise XML correspondant à l'attribut, et ayant valeur d'identifiant de cette information au sein des dictionnaires de données Sandre,
- Le format utilisé pour stocker cet attribut,
- Le responsable de cet attribut,
- La précision avec laquelle doit être saisie l'information (longueur impérative ou maximale de l'attribut, les règles de typologie -majuscule, accentué- à respecter, étendue des valeurs possibles pour les attributs numériques...)
- L'origine temporelle si nécessaire,
- L'unité de mesure,
- Le rôle de cet attribut dans l'entité, notamment s'il s'agit d'un identifiant (clé primaire).

Toutes ces métadonnées ne sont pas toujours indiquées pour chaque information.

La description des attributs fait appel à l'un des formats de données suivants :

Formats de données	Détail	Abréviation utilisée
Texte	Texte (Chaîne de caractère alphanumérique de longueur non limitée)	T
Caractère	Chaîne de caractère alphanumérique de longueur limitée	C
Date	Date	D
Date-Heure	Date-Heure	D-H
Heure	Heure	H
Numérique	Numérique	N
Objet graphique (binaire)	Contenu image, selon les définitions MIME type (IETF RFC 2046)	B
Logique	Information booléenne prenant pour valeur: <ul style="list-style-type: none"> <li>● « true » ou « 1 »</li> <li>● « false » ou « 0 »</li> </ul>	I

Formats de données	Détail	Abréviation utilisée
Surface	<p>Géométrie définie par un :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>- Réel pour le <i>Shapefile</i> ; <i>Nombre réel comprenant entre 1 et 20</i> caractères, dont 0 à 15 chiffres après le séparateur décimal (point).</li> <li>- Flottant pour le Mif/Mid ; Format numérique (le séparateur décimal DOIT obligatoirement être la virgule).</li> <li>- Surface d'un objet par défaut.</li> </ul>	Area
Longueur	<p>Géométrie définie par un :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>- Réel pour le <i>Shapefile</i> ; <i>Nombre réel comprenant entre 1 et 20</i> caractères, dont 0 à 15 chiffres après le séparateur décimal (point).</li> <li>- Flottant pour le Mif/Mid ; Format numérique (le séparateur décimal DOIT obligatoirement être la virgule).</li> <li>- Surface d'un objet par défaut.</li> </ul>	Lenght
Point	<p>Géométrie définie par un :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>- Point pour le <i>Shapefile</i>,</li> <li>- Point le Mif/Mid,</li> <li>- GM_POINT (ISO 19136) par défaut.</li> </ul>	GM_POINT
Polyligne	<p>Géométrie définie par une :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>- Polyligne pour le <i>Shapefile</i>,</li> <li>- Polyligne pour le Mif/Mid,</li> <li>- GM_CURVE (ISO 19136) par défaut.</li> </ul>	GM_CURVE
Polygone	<p>Géométrie définie par un :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>- Polygone pour le <i>Shapefile</i>,</li> <li>- Polygone pour le Mif/Mid,</li> <li>- GM_Surface (ISO 19136) par défaut.</li> </ul>	GM_SURFACE
MultiPolygone	<p>Géométrie définie par des :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>- Polygones pour le <i>Shapefile</i>,</li> <li>- Polygones pour le Mif/Mid,</li> <li>- GM_MultiSurface (ISO 19136) par défaut.</li> </ul>	GM_MULTISURFACE
Primitive	Géométrie indéfinie de type : GM_SURFACE ou GM_CURVE ou GM_POINT...	GM_PRIMITIVE

## II.2.4. Les nomenclatures

Certains attributs doivent prendre pour valeur possibles des codes définis au sein d'une nomenclature (liste de valeurs possibles). Chaque code étant alors associé à un libellé, accompagné d'un mnémonique et d'une définition. Ces listes sont présentées sous la forme d'un tableau à différentes entrées:

Code	Mnémonique	Libellé	Définition

Les codes (clefs primaires) permettent d'assurer l'unicité de chaque occurrence.

Le mnémonique est une appellation synthétique ne dépassant pas 25 caractères. Cette information est créée à des fins d'exploitation informatique et peut contenir des sigles ou des abréviations.

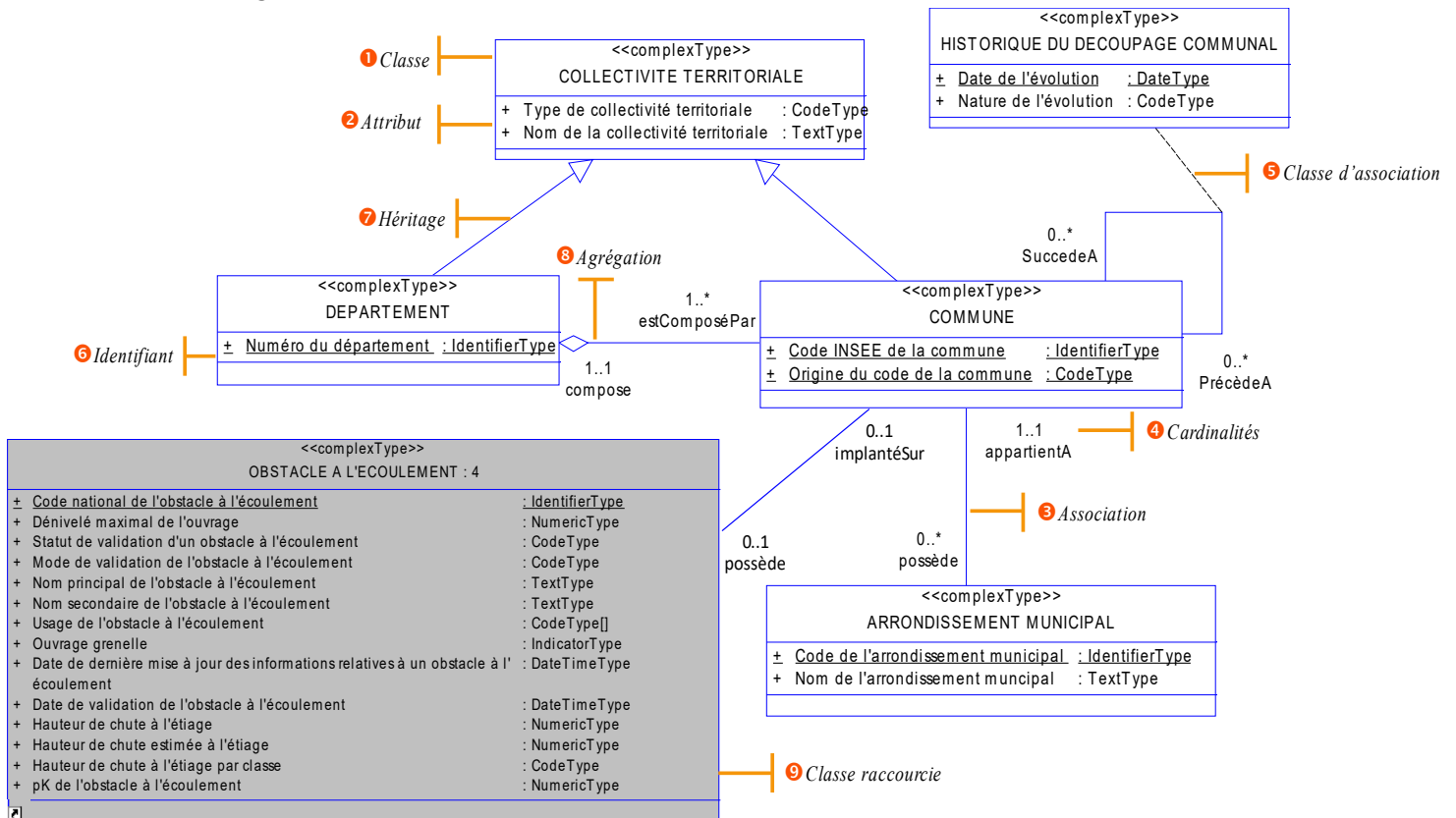
## II.3. Formalisme du modèle orienté objet

Le modèle orientée objet (MOO), se compose de plusieurs diagrammes dont le plus important, le diagramme de classes, constitue une représentation formelle des données nécessaire au fonctionnement d'un système d'information. Le diagramme de classe représente la structure logique commune d'un domaine métier particulier, indépendamment du logiciel ou de la structure de stockage des données. Il est formalisé dans le langage UML ( Unified Modeling Language).

Le dictionnaire de données Sandre utilise un formalisme UML pour décrire le modèle de données. En revanche, les modèles produits au Sandre sont construits pour une exploitation informatique (production du dictionnaire au format xsd) et dans l'objectif final d'une implémentation physique en base de données. Partant, il ne respecte pas complètement les règles de l'exercice théorique que constitue le modèle conceptuel de données.

### II.3.1. Comment lire le modèle de données ?

Le schéma ci-après décrit les principaux formalismes utilisés dans le diagramme de classe de la modélisation UML :



Le diagramme précédent peut être lu comme suit :

Les COMMUNES et les DEPARTEMENTS sont des types de COLLECTIVITE TERRITORIALE. Un DEPARTEMENT est caractérisé par son numéro de département, son type de collectivité territoriale et son nom. Un département est composé de 1 ou plusieurs COMMUNES. Une COMMUNE se caractérise par son code INSEE, l'origine de son code, son type de collectivité territoriale et son nom. Une COMMUNE fait partie de 1 et 1 seul département. Une COMMUNE possède 0 ou plusieurs ARRONDISSEMENTS MUNICIPAUX. Un ARRONDISSEMENT MUNICIPAL est caractérisé par son code et son nom. Il appartient à 1 et 1 seule COMMUNE. Une COMMUNE peut succéder à 1 autre ou plusieurs COMMUNES. La relation entre ces COMMUNES est caractérisée par la date et la nature de l'évolution du découpage communal.

N°	Élément	Description	Représentation
1	Classe	Une classe est un objet réel ou abstrait contenu dans un système d'information. Il peut s'agir de personne, lieu ou concept dont les caractéristiques présentent un intérêt pour le thème décrit. Une classe définit un jeu d'objets dotés de caractéristiques communes	Chaque entité est visualisée par un rectangle divisé en plusieurs parties : le nom de la classe (surmonté de l'inscription <<complexType>>), ses attributs et les éventuelles opérations ou méthodes.

N°	Élément	Description	Représentation
2	Attribut	Un attribut, également appelé propriété, est une caractéristique utile à la description de l'entité et permettant de distinguer les éléments entre eux.	<i>L'attribut est indiqué dans la case Classe. Sont précisés son nom, son type, s'il s'agit d'une clé primaire (attribut souligné).</i>
3	Association simple	Une association, également appelée relation, est un lien entre au moins deux classes. Elle est définie par ses rôles et ses cardinalités.	<i>Chaque association est représentée par un trait simple surmontée à chaque extrémité d'un rôle et d'une cardinalité.</i>
4	Cardinalités	Le lien comporte une cardinalité minimale (premier chiffre) et une cardinalité maximale (second chiffre) qui précisent l'implication de chaque classe dans la relation.	<i>Par exemple, un département a AU MOINS une commune rattachée et AU MAXIMUM n communes, se traduit par le couple de cardinalités (1,*) du côté de la classe Commune.</i>
5	Classe d'association	Une association peut être matérialisée par une classe dans une des circonstances suivantes : - si l'association est porteuse d'attributs, - si l'association est de multiplicité * de part et d'autre de l'association	<i>La classe d'association est modélisée par un lien en pointillé allant de la classe d'association vers l'association concernée.</i>
6	Identifiant	L'identifiant est dit simple lorsqu'il est basé sur un unique attribut et <u>composé</u> lorsqu'il est basé sur plusieurs.	<i>Graphiquement, les éléments composant l'identifiant primaire sont soulignés.</i>
7	Héritage	Un héritage est une relation particulière qui définit une classe comme étant une instance particulière d'une classe plus générale. L'entité fille hérite de tous les attributs de l'entité mère.	<i>L'héritage est représenté par une flèche. La pointe de la flèche indique l'entité mère de l'héritage alors que l'autre extrémité indique l'entité fille.</i>
8	Association d'agrégation	Une association d'agrégation exprime un couplage fort et une relation de subordination de l'agrégat sur les agrégés (éléments composants l'agrégat).	<i>Une agrégation est représentée par une ligne entre deux classes, terminée par un losange vide ("diamant") du côté de l'agrégat.</i>
9	Classe raccourcis	Une classe raccourcie est une classe qui provient d'un autre dictionnaire.	<i>Une classe raccourcie est représentée par un rectangle en gris et possède une petite flèche dans le coin gauche.</i>

### II.3.2.Représentation spatiale d’une entité

Certaines classes d'objet possèdent une représentation spatiale dans le monde réel. Elle est intéressante à modéliser dans la mesure où l'information spatiale (appelée géométrie) peut être utilisée dans un Système d'Information Géographique (SIG). Modéliser la représentation spatiale d'une entité géographique fixe revient à mettre en relation une occurrence de l'entité géographique avec le ou les objets géométriques qui la représentent. Conceptuellement plusieurs choix de modélisation sont possibles pour indiquer la nature géométrique d'un objet.

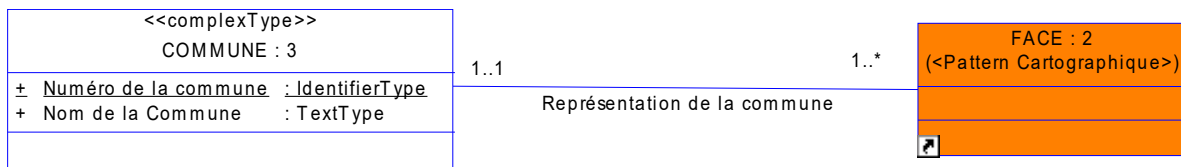
Les modèles de données du Sandre utilisent deux manières de modéliser les classes présentant une représentation spatiale. Dans les deux cas, les caractéristiques de chaque objet géométrique (coordonnées des points, système de coordonnées) ne sont pas détaillées dans le modèle.

#### 1er cas :

La représentation spatiale de l'objet est modélisée par une association vers une primitive géométrique. Trois classes de primitives géométriques ont été créées :

- Le nœud : Il s'agit d'un point défini par un X un Y,
- L'arc : Il s'agit d'une ligne ou polygone, c'est à dire un ensemble de points connectés entre eux
- La face : Il s'agit d'une surface constituant un polygone fermé.

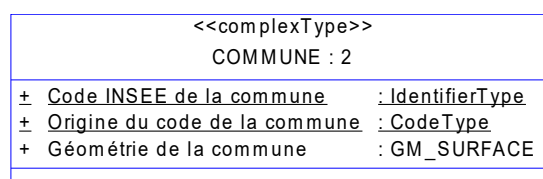
La commune est représentée par une ou plusieurs faces (polygones) se traduit par :



#### 2nd cas :

La représentation spatiale de l'objet est modélisée par un attribut de type géométrique. Un attribut nommé « géométrie de ... » de type GM\_POINT, GM\_SURFACE, etc, est associé à une ou plusieurs primitives géométriques selon la norme ISO19136. Dans ce cas, cet attribut permet de conserver la géométrie de l'objet en GML.

La commune est représentée par une ou plusieurs faces (polygones) se traduit par :



## III.INTRODUCTION

Le thème **Eaux littorales** a été traité par le Sandre avec un groupe d'experts national. Il se traduit par la parution de différents documents accessibles à l'ensemble des acteurs qui répondent à des besoins différents :

	Objectif du document	Cible	Nom du document
général ↓	Présentation de la sémantique Sandre du thème	Acteurs du domaine de l'Eau	* Présentation des eaux littorales
	<b>Dictionnaire de données par sous thème</b>	<b>Acteurs implémentant un système sur le thème</b>	* Dictionnaire de données sur les lieux de surveillance * <b>Dictionnaire de données des mesures qualité des eaux littorales</b>
détail	Spécifications techniques du format d'échange Sandre	Informaticiens implémentant un scénario d'échanges de données	* Scénario d'échange XML des mesures qualité des eaux littorales

Tous ces dictionnaires étant interdépendants, les définitions d'objets ou d'attributs d'un dictionnaire peuvent faire mention d'éléments présents dans les autres dictionnaires. Afin de faciliter la compréhension de ces liens, les objets qui proviennent d'autres dictionnaires sont grisés dans les schémas de données.

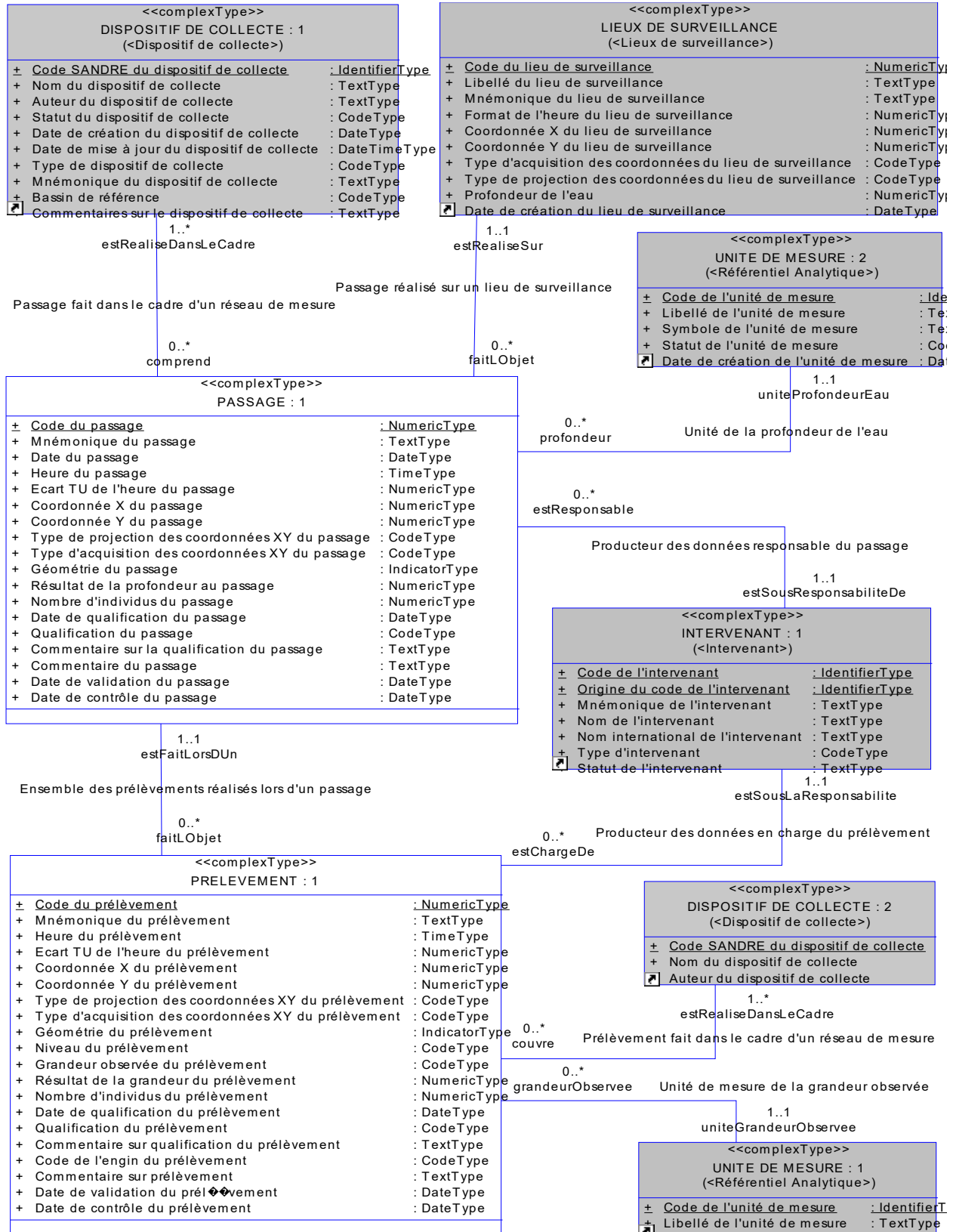
### Espaces de nommage :

Les espaces de nommage permettent d'identifier, de manière unique, l'ensemble des concepts pris dans chacun de ces référentiels élémentaires :

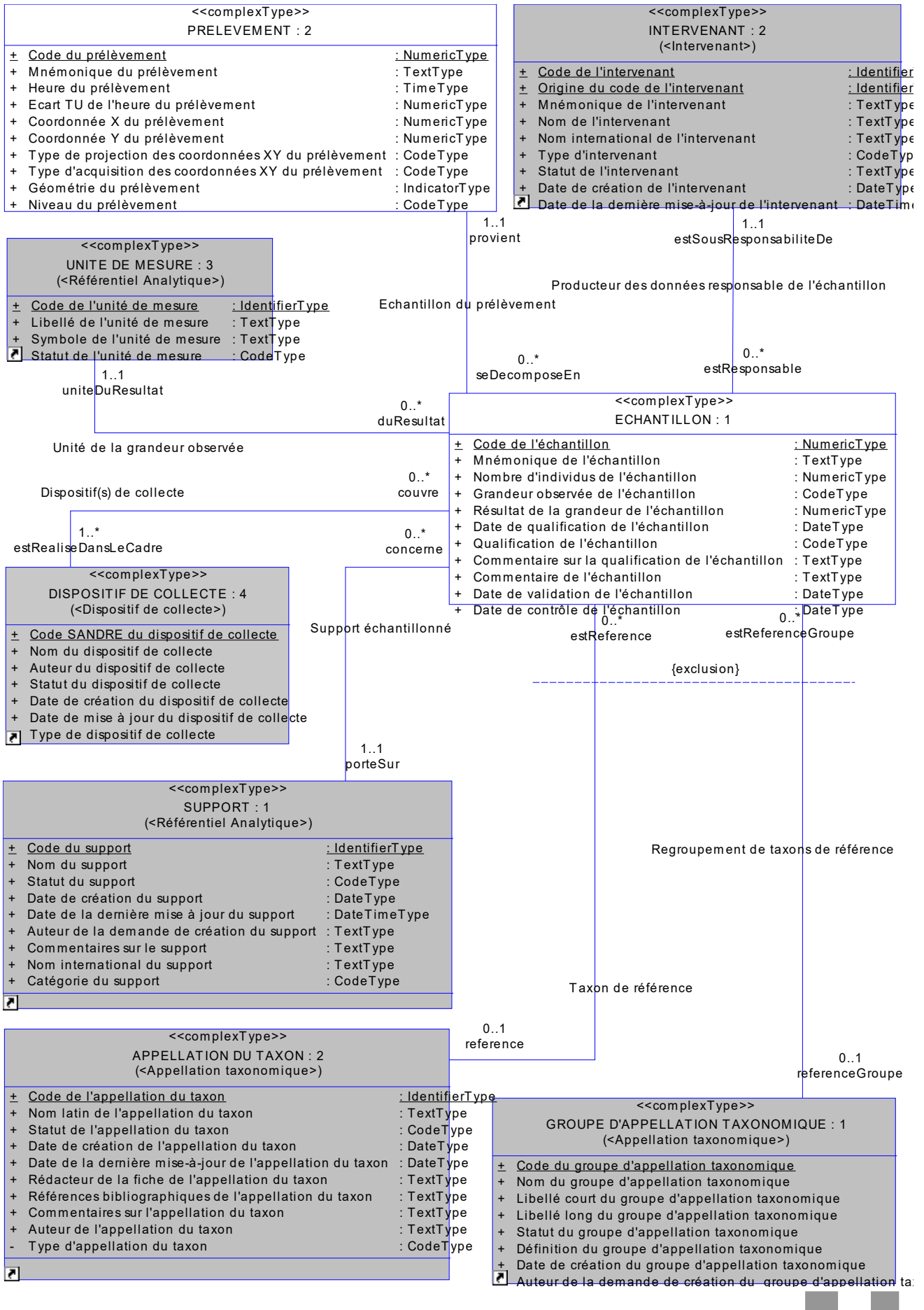
Préfixe de l'espace de nommage externe	Adresse URI de l'espace de nommage externe	Nom de l'espace de nommage
sa_eli	<a href="http://xml.sandre.eaufrance.fr/eli/1">http://xml.sandre.eaufrance.fr/eli/1</a>	<a href="#">Processus d'acquisition des données physico-chimiques, microbiologiques, biologiques et déchets</a>
sa_apt	<a href="http://xml.sandre.eaufrance.fr/apt/2.1">http://xml.sandre.eaufrance.fr/apt/2.1</a>	<a href="#">Référentiel des appellations taxonomiques</a>
sa_sel	<a href="http://xml.sandre.eaufrance.fr/sel/2">http://xml.sandre.eaufrance.fr/sel/2</a>	<a href="#">Lieux de surveillance</a>
sa_rhb	<a href="http://xml.sandre.eaufrance.fr/rhb/4.2">http://xml.sandre.eaufrance.fr/rhb/4.2</a>	<a href="#">Processus d'acquisition des données biologiques</a>
sa_par	<a href="http://xml.sandre.eaufrance.fr/par/3">http://xml.sandre.eaufrance.fr/par/3</a>	<a href="#">Référentiel Analytique</a>
sa_dc	<a href="http://xml.sandre.eaufrance.fr/dc/3">http://xml.sandre.eaufrance.fr/dc/3</a>	<a href="#">Dispositifs de collecte</a>
sa_int	<a href="http://xml.sandre.eaufrance.fr/int/3">http://xml.sandre.eaufrance.fr/int/3</a>	<a href="#">Référentiel des intervenants</a>

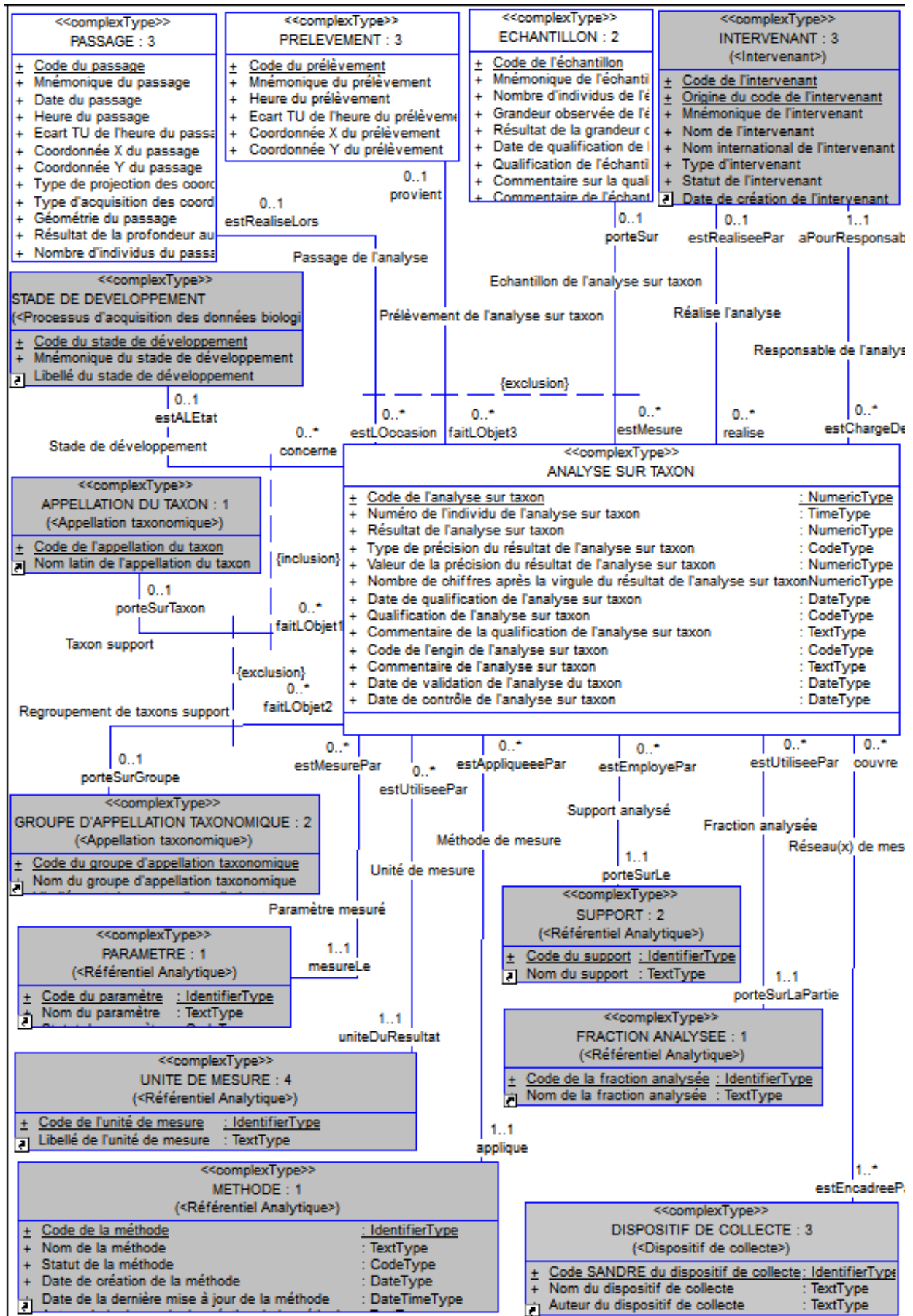
**Le document actuel est la version 1 et constitue un document Validé.**

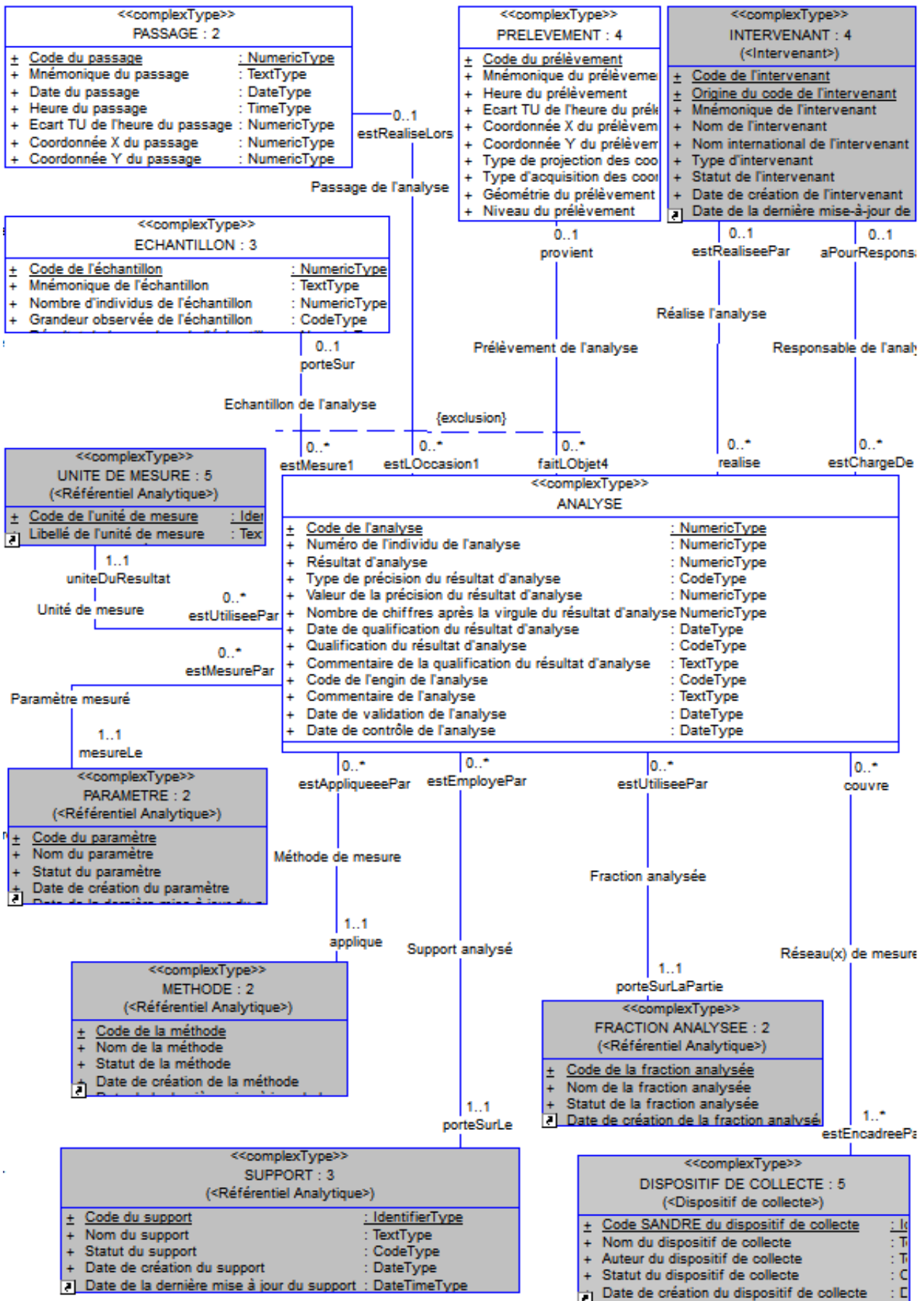
# IV. DIAGRAMME DES CLASSES











## V. DICTIONNAIRE DES CLASSES

### V.1. ANALYSE

➤ **Nom de balise XML : <sa\_eli:Ana>**

➤ **Définition :**

Action de détermination d'une valeur par la mesure d'un paramètre - qualitatif ou quantitatif - physico-chimique, biologique ou micro biologique ou de déchets portant sur un prélèvement ou un échantillon ou un passage, effectuée dans le cadre de réseau(x) de mesure. Les mesures sur taxons et regroupements de taxons sont exclues.

Les informations relatives aux résultats d'analyse sont fournies par l'organisme chargé de l'analyse, et communiquées sous la responsabilité de l'organisme producteur de données qui confirme ou non le résultat au regard de la connaissance et du contrôle du processus de production de la donnée et qui s'engage ou pas sur la vraisemblance et la représentativité de la donnée.

➤ **Liste des attributs (avec les cardinalités) :**

- Code de l'analyse (1,1)
- Numéro de l'individu de l'analyse (0,1)
- Résultat d'analyse (0,1)
- Type de précision du résultat d'analyse (0,1)
- Valeur de la précision du résultat d'analyse (0,1)
- Nombre de chiffres après la virgule du résultat d'analyse (0,1)
- Date de qualification du résultat d'analyse (0,1)
- Qualification du résultat d'analyse (0,1)
- Commentaire de la qualification du résultat d'analyse (0,1)
- Code de l'engin de l'analyse (0,1)
- Commentaire de l'analyse (0,1)
- Date de validation de l'analyse (0,1)
- Date de contrôle de l'analyse (0,1)

- **Liste des associations (avec les cardinalités) :**
  - aPourResponsable (0,1) INTERVENANT
  - estRealiseePar (0,1) INTERVENANT
  - porteSur (0,1) ECHANTILLON
  - provient (0,1) PRELEVEMENT
  - estRealiseLors (0,1) PASSAGE
  - porteSurLe (1,1) SUPPORT
  - porteSurLaPartie (1,1) FRACTION ANALYSEE
  - estEncadreePar (1,n) DISPOSITIF DE COLLECTE
  - applique (1,1) METHODE
  - mesureLe (1,1) PARAMETRE
  - uniteDuResultat (1,1) UNITE DE MESURE

## V.2. ANALYSE SUR TAXON

- **Nom de balise XML : <sa\_eli:AnaTax>**
- **Définition :**

Action de détermination d'une valeur par la mesure d'un paramètre physico-chimique, biologique ou micro biologique portant sur un taxon ou un regroupement de taxons - éventuellement extrait du prélèvement ou de son échantillon ou du passage, effectuée dans le cadre de réseau(x) de mesure. Le paramètre mesuré peut être qualitatif (présence/absence du taxon) ou quantitatif (nombre d'individus, indice d'abondance, poids de chaque taxon, taux de recouvrement).

Les informations relatives aux résultats d'analyse sont fournies par l'organisme chargé de l'analyse, et communiquées sous la responsabilité de l'organisme producteur de données qui confirme ou non le résultat au regard de la connaissance et du contrôle du processus de production de la donnée et qui s'engage ou pas sur la vraisemblance et la représentativité de la donnée.

➤ **Liste des attributs (avec les cardinalités) :**

- Code de l'analyse sur taxon (1,1)
- Numéro de l'individu de l'analyse sur taxon (0,1)
- Résultat de l'analyse sur taxon (0,1)
- Type de précision du résultat de l'analyse sur taxon (0,1)
- Valeur de la précision du résultat de l'analyse sur taxon (0,1)
- Nombre de chiffres après la virgule du résultat de l'analyse sur taxon (0,1)
- Date de qualification de l'analyse sur taxon (0,1)
- Qualification de l'analyse sur taxon (0,1)
- Commentaire de la qualification de l'analyse sur taxon (0,1)
- Code de l'engin de l'analyse sur taxon (0,1)
- Commentaire de l'analyse sur taxon (0,1)
- Date de validation de l'analyse du taxon (0,1)
- Date de contrôle de l'analyse sur taxon (0,1)

➤ **Liste des associations (avec les cardinalités) :**

- porteSurGroupe (0,1) GROUPE D'APPELLATION TAXONOMIQUE
- estRealiseLors (0,1) PASSAGE
- porteSur (0,1) ECHANTILLON
- provient (0,1) PRELEVEMENT
- estALEtat (0,1) STADE DE DEVELOPPEMENT
- mesureLe (1,1) PARAMETRE
- uniteDuResultat (1,1) UNITE DE MESURE
- porteSurLaPartie (1,1) FRACTION ANALYSEE
- applique (1,1) METHODE
- porteSurLe (1,1) SUPPORT
- porteSurTaxon (0,1) APPELLATION DU TAXON
- aPourResponsable (1,1) INTERVENANT
- estRealiseePar (0,1) INTERVENANT
- estEncadreePar (1,n) DISPOSITIF DE COLLECTE

### V.3. APPELLATION DU TAXON

➤ **Nom de balise XML : <sa\_apt:AppelTaxon>**

➤ **Définition :**

Désignation d'un taxon qui est une unité générique qui fait référence à la systématique - forme de classification dérivant du même ancêtre. Selon qu'on remonte plus ou moins haut dans l'origine du taxon, on aura des taxons supérieurs (embranchements, classes) ou des taxon inférieurs (genres, espèces, races). Il arrive que la découverte d'un taxon attribuée à un chercheur soit remise en cause par un autre, ce qui conduit à une appellation d'un taxon à être vue comme :

- "référente" vis à vis d'autres appellations synonymes,
- "synonyme" d'une autre appellation référente.

La liste des appellations des taxons est administrée par le SANDRE.

## V.4. DISPOSITIF DE COLLECTE

➤ **Nom de balise XML : <sa\_dc:DispositifCollecte>**

➤ **Définition :**

Les dispositifs de collecte des données sur l'eau désignent tout dispositif (tout moyen) qui permet par mesure ou non d'acquérir des données (des connaissances) sur :

- les milieux aquatiques
- les ressources en eau
- les usages de l'eau
- les pressions (et impacts associés) qui s'exercent sur les milieux et les ressources
- les données économiques afférentes pour une finalité précise.

## V.5. ECHANTILLON

➤ **Nom de balise XML : <sa\_eli:Echant>**

➤ **Définition :**

Extrait de tout ou partie du prélèvement d'un support donné. L'échantillon physico-chimique, microbiologique ou biologique correspond à une partie prélevée dans le milieu qui est analysée par un organisme afin d'examiner diverses caractéristiques.

Les informations sur l'échantillon sont sous la responsabilité de l'organisme producteur de données.

➤ **Liste des attributs (avec les cardinalités) :**

- Code de l'échantillon (1,1)
- Mnémonique de l'échantillon (0,1)
- Nombre d'individus de l'échantillon (0,1)
- Grandeur observée de l'échantillon (0,1)
- Résultat de la grandeur de l'échantillon (0,1)
- Date de qualification de l'échantillon (0,1)
- Qualification de l'échantillon (0,1)
- Commentaire sur la qualification de l'échantillon (0,1)
- Commentaire de l'échantillon (0,1)
- Date de validation de l'échantillon (0,1)
- Date de contrôle de l'échantillon (0,1)

- **Liste des associations (avec les cardinalités) :**
  - provient (1,1) PRELEVEMENT
  - estSousResponsabiliteDe (1,1) INTERVENANT
  - reference (0,1) APPELLATION DU TAXON
  - referenceGroupe (0,1) GROUPE D'APPELLATION TAXONOMIQUE
  - porteSur (1,1) SUPPORT
  - estMesure (0,n) ANALYSE SUR TAXON
  - estRealiseDansLeCadre (1,n) DISPOSITIF DE COLLECTE
  - estMesure1 (0,n) ANALYSE
  - uniteDuResultat (1,1) UNITE DE MESURE

## V.6. FRACTION ANALYSEE

- **Nom de balise XML : <sa\_par:FractionAnalysee>**
- **Définition :**

Une fraction analysée correspond à tout ou une partie du support sur lequel porte l'analyse. Différentes catégories de fractions analysées existent. Les exemples ci-dessous illustrent cette diversité :

support « Eau » avec pour fraction analysée « eau brute » ;

support « Poisson » avec pour fraction analysée « foie de poisson » ;

support « Sédiments » avec pour fraction analysée « Particule < 2 mm de sédiments ».

## V.7. GROUPE D'APPELLATION TAXONOMIQUE

- **Nom de balise XML : <sa\_apt:GrpAppelTaxon>**
- **Définition :**

Un groupe d'appellation de taxon est un ensemble d'appellation de taxons présentant des caractéristiques communes. Les critères permettant de définir des groupes d'appellation de taxon peuvent être complexes et multiples. Ces critères sont en rapport avec la finalité pour laquelle un regroupement de taxons est défini.

Un groupe d'appellation de taxon peut contenir plusieurs sous-groupes, selon un ordre hiérarchique pouvant aller jusqu'à plusieurs niveaux inférieurs. Un groupe d'appellation de taxon peut être rattaché à plusieurs groupe d'appellation de taxon parents.

Les différents groupe d'appellation de taxon sont administrés par le Sandre.



## V.8. INTERVENANT

- **Nom de balise XML : <sa\_int:Intervenant>**
- **Définition :**

Les intervenants sont tous les organismes ayant un ou plusieurs rôle(s) en tant qu'acteur de l'eau et qui sont référencés dans les bases de données respectant le formalisme du SANDRE. Ils sont identifiés dans les échanges de données par leur code SIRET. Quand ce dernier ne peut pas exister car l'intervenant ne rentre pas dans le domaine d'application du registre national ou lorsque ce code ne permet pas d'identifier de manière univoque l'intervenant (cas des structures incluses dans une structure plus générale), il est alors identifié par son code SANDRE.

Ils se partagent entre plusieurs catégories dont :

laboratoire d'analyse,  
préleveur,  
opérateur en hydrométrie,  
laboratoire d'hydrobiologie,  
organisme chargé de la police des eaux,  
et producteur/ gestionnaire,  
...

Les règles de remplissage de l'attribut "Code SIRET de l'organisme auquel l'intervenant est rattaché" sont les suivantes :

Cas 1 : l'organisme est SIRETE, par exemple un laboratoire. Le code SIRET est utilisé, aucun code SANDRE n'est indiqué. L'attribut " code SIRET de l'organisme auquel est rattaché l'intervenant " n'est pas rempli,

Cas 2 : l'organisme n'a pas de code SIRET et n'est rattaché à aucune structure. Dans ce cas, il est attribué un code SANDRE. L'attribut " code SIRET de l'organisme auquel est rattaché l'intervenant " n'est pas rempli,

Cas 3 : l'organisme n'a pas de code SIRET en tant qu'établissement mais est rattaché à une structure, par exemple le SATESE rattaché au Conseil Général. Dans ce cas, il est attribué un code SANDRE et l'attribut " code SIRET de l'organisme auquel est rattaché l'intervenant " est rempli avec le code SIRET, dans l'exemple, celui du Conseil Général.

La liste nationale des codes SANDRE des intervenants est établie sous la responsabilité du SANDRE. Le code SIRET est établi par l'INSEE.

## V.9. LIEUX DE SURVEILLANCE

- **Nom de balise XML :** <sa\_sel:LieuSurv>
- **Définition :**

Lieu géographique où il est prévu d'effectuer des observations et/ou des mesures. Il est localisé de façon unique par son emprise cartographique sous forme de polygone ou de ligne ou de point.

Les informations descriptives du lieu de surveillance relèvent de la responsabilité de l'Ifremer.

## V.10. METHODE

- **Nom de balise XML :** <sa\_par: Methode>
- **Définition :**

Une méthode est un ensemble d'étapes qui constituent un protocole afin de réaliser une opération (prélèvement, fractionnement, conservation, mesure) sur une fraction analysée (une partie ou la totalité d'un support).

## V.11. PARAMETRE

- **Nom de balise XML :** <sa\_par: Parametre>
- **Définition :**

Un paramètre définit une substance / propriété / grandeur que l'on cherche à évaluer ou à quantifier.

## V.12. PASSAGE

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli: Pasg>
- **Définition :**

Action de passer ou de traverser - à un moment donné - sur un lieu de surveillance pour effectuer des observations et/ou des mesures dans le cadre d'un ou plusieurs programmes de surveillance (au sens dispositifs de collecte). Le passage permet un regroupement cohérent des observations et/ou des mesures effectuées à un même endroit par un ou plusieurs organismes.

Les informations sur le passage sont sous la responsabilité de l'organisme producteur de données.

- **Liste des attributs (avec les cardinalités) :**
  - Code du passage (1,1)
  - Mnémonique du passage (0,1)
  - Date du passage (0,1)
  - Heure du passage (0,1)
  - Ecart TU de l'heure du passage (0,1)
  - Coordonnée X du passage (0,1)
  - Coordonnée Y du passage (0,1)
  - Type de projection des coordonnées XY du passage (0,1)
  - Type d'acquisition des coordonnées XY du passage (0,1)
  - Géométrie du passage (0,1)
  - Résultat de la profondeur au passage (0,1)
  - Nombre d'individus du passage (0,1)
  - Date de qualification du passage (0,1)
  - Qualification du passage (0,1)
  - Commentaire sur la qualification du passage (0,1)
  - Commentaire du passage (0,1)
  - Date de validation du passage (0,1)
  - Date de contrôle du passage (0,1)
  
- **Liste des associations (avec les cardinalités) :**
  - estRealiseSur (1,1) LIEUX DE SURVEILLANCE
  - estSousResponsabiliteDe (1,1) INTERVENANT
  - uniteProfondeurEau (1,1) UNITE DE MESURE
  - estLOccasion (0,n) ANALYSE SUR TAXON
  - estRealiseDansLeCadre (1,n) DISPOSITIF DE COLLECTE
  - faitLObjet (0,n) PRELEVEMENT
  - estLOccasion1 (0,n) ANALYSE

## V.13.PRELEVEMENT

- **Nom de balise XML : <sa\_eli:Prelv>**
- **Définition :**

Action d'extraire, avec un engin de prélèvement, une partie représentative du milieu lors du passage sur le lieu de surveillance. Cette partie fait l'objet d'observations et/ou de mesures qui nécessitent éventuellement un échantillonnage préalable sur un support.

Les informations sur le prélèvement sont sous la responsabilité de l'organisme chargé de le réaliser .

- **Liste des attributs (avec les cardinalités) :**
  - Code du prélèvement (1,1)
  - Mnémonique du prélèvement (0,1)
  - Heure du prélèvement (0,1)
  - Ecart TU de l'heure du prélèvement (0,1)
  - Coordonnée X du prélèvement (0,1)
  - Coordonnée Y du prélèvement (0,1)
  - Type de projection des coordonnées XY du prélèvement (0,1)
  - Type d'acquisition des coordonnées XY du prélèvement (0,1)
  - Géométrie du prélèvement (0,1)
  - Niveau du prélèvement (0,1)
  - Grandeur observée du prélèvement (0,1)
  - Résultat de la grandeur du prélèvement (0,1)
  - Nombre d'individus du prélèvement (0,1)
  - Date de qualification du prélèvement (0,1)
  - Qualification du prélèvement (0,1)
  - Commentaire sur qualification du prélèvement (0,1)
  - Code de l'engin du prélèvement (0,1)
  - Commentaire sur prélèvement (0,1)
  - Date de validation du prélèvement (0,1)
  - Date de contrôle du prélèvement (0,1)
  
- **Liste des associations (avec les cardinalités) :**
  - estFaitLorsDU (1,1) PASSAGE
  - uniteGrandeurObservee (1,1) UNITE DE MESURE
  - estSousLaResponsabilite (1,1) INTERVENANT
  - seDecomposeEn (0,n) ECHANTILLON
  - estRealiseDansLeCadre (1,n) DISPOSITIF DE COLLECTE
  - faitLObjet3 (0,n) ANALYSE SUR TAXON
  - faitLObjet4 (0,n) ANALYSE

## V.14. STADE DE DEVELOPPEMENT

➤ **Nom de balise XML : <sa\_rhb:StadeDev>**

➤ **Définition :**

Un résultat de dénombrement de taxons PEUT être donné pour un état morphologique particulier d'un taxon, correspondant à une de ses différentes phases de développement.

Il est donc possible, au sein d'une liste, qu'un même taxon soit présent plusieurs fois, pour des stades de développement différent.

Un résultat faunistique ou floristique correspond généralement à un dénombrement d'individus pour tous les états morphologiques confondus (larvaire, adulte,...).

La liste des stades de développement est définie dans la nomenclature sandre n°497.

Note : l'Indice Biologique Global Normalisé (norme NF T 90-350, Décembre 1992) exige que les organismes soient dénombrés selon leur forme larvaire, nymphale ou adulte mais ne demande pas leur différenciation.

## V.15.SUPPORT

- **Nom de balise XML : <sa\_par:Support>**
- **Définition :**

Un support désigne un composant du milieu sur lequel porte l'investigation, faisant généralement l'objet de prélèvements en vue d'analyses ultérieures, afin d'évaluer sa qualité et celle du milieu. Le support ne correspond pas au support réellement analysé puisque généralement il s'agit d'une fraction du support qui est analysée (par exemple, pour le poisson, le foie, ou pour l'eau, on distingue l'eau brute ou l'eau filtrée). La notion de fraction analysée doit être utilisée en priorité.

Un support peut être :

un composant inerte tel que l'eau, les sédiments, les matières en suspension qui font généralement l'objet d'analyses physico-chimiques et microbiologiques ;

une communauté particulière d'êtres vivants qui vivent dans le milieu (macro-invertébrés benthiques, macrophytes, diatomées, etc.), auquel cas, dans le domaine de l'hydrobiologie, ces supports sont généralement appelés des compartiments ou communautés biologiques. Un support biologique désigne globalement un ensemble d'êtres vivants ou taxons, et dont le suivi, en termes de peuplement ou de comportement, présente un intérêt majeur pour la connaissance de l'état du milieu aquatique dans lequel ils vivent. Un support biologique ne correspond pas forcément à un groupe taxonomique issu de la systématique. Ces supports biologiques rassemblent un ensemble de taxons présentant des caractéristiques identiques (physiologiques, morphologiques, habitat, etc.), et pouvant appartenir à des groupes taxonomiques très différents (exemples : les macrophytes désignent globalement des végétaux visibles à l'œil nu).

## V.16.UNITE DE MESURE

- **Nom de balise XML : <sa\_par:UniteMesure>**
- **Définition :**

L'expression des unités de mesure est basée sur le système international et peut pour certaines unités de mesure se référer à une nature de fraction analysée (solide, liquide ou gazeuse). Par défaut, l'unité de mesure se rapporte directement au paramètre.

## VI. DICTIONNAIRE DES ATTRIBUTS

### VI.1. Code de l'analyse

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:CdAna>
- **Nom de la classe :** ANALYSE
- **Format :** [N](#)
- **Définition :**

Identifiant unique et non significatif de l'analyse. Il est fourni par le producteur des données.

### VI.2. Code de l'analyse sur taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:CdAnaTax>
- **Nom de la classe :** ANALYSE SUR TAXON
- **Format :** [N](#)
- **Définition :**

Identifiant unique et non significatif de l'analyse sur taxon. Il est fourni par le producteur des données.

### VI.3. Code de l'échantillon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:CdEchant>
- **Nom de la classe :** ECHANTILLON
- **Format :** [N](#)
- **Définition :**

Identifiant unique et non significatif de l'échantillon du prélèvement. Il est fourni par le producteur des données.

## VI.4.Code de l'engin de l'analyse

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:CdEngAna>
- **Nom de la classe :** **ANALYSE**
- **Format :** **C**
- **Longueur :** **25**
- **Définition :**

Identifiant unique de l'instrument d'analyse utilisé pour effectuer l'analyse. Il peut être une sonde de température, etc. Les différents engins figurent dans une liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°719.

cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:719:::referentiel:3.1.html>

## VI.5.Code de l'engin de l'analyse sur taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:CdEngAnaTax>
- **Nom de la classe :** **ANALYSE SUR TAXON**
- **Format :** **C**
- **Longueur :** **25**
- **Définition :**

Identifiant unique de l'instrument d'analyse, caractérisé par sa taille et sa complexité, utilisé pour effectuer l'analyse sur taxon ou regroupement de taxons. Il peut être une sonde de température, etc. Les différents engins figurent dans une liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°719.

cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:719:::referentiel:3.1.html>

## VI.6.Code de l'engin du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:CdEngPrelv>
- **Nom de la classe :** **PRELEVEMENT**
- **Format :** **C**
- **Longueur :** **25**
- **Définition :**

Moyen utilisé pour effectuer le prélèvement ou l'observation décrivant soit l'engin utilisé pour prélever le support à analyser, soit la matérialisation de la zone d'observation. Il est caractérisé par son type (filet, carottier, benne, observation in situ, etc.), ses dimensions (diamètre des filets ou des carottiers, maille de filtrage, largeur des quadrats, etc.), et par la taille de l'observation ou du prélèvement effectué en une fois. Cette taille "en une fois" diffère de l'attribut "Grandeur observée du prélèvement" car l'engin du prélèvement peut être utilisé plusieurs fois pour constituer un prélèvement ou une observation, ou bien le prélèvement peut être fractionné.

Ex : le "Carottier métallique carré 20 x 20 cm" fait 20 cm de côté. La taille d'un prélèvement effectué en utilisant 1 fois ce carottier est de 0,04m<sup>2</sup>. Un prélèvement constitué de 2 carottes aura une grandeur observée du prélèvement de 0,08m<sup>2</sup>.

Les différents engins du prélèvement figurent dans une liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°603. cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:603::::::referentiel:3.1.html>

## VI.7.Code du passage

- **Nom de balise XML** : <sa\_eli:CdPasg>
- **Nom de la classe** : **PASSAGE**
- **Format** : **N**
- **Définition** :

Identifiant unique et non significatif du passage sur le lieu de surveillance. Il est fourni par le producteur des données.

## VI.8.Code du prélèvement

- **Nom de balise XML** : <sa\_eli:CdPrelv>
- **Nom de la classe** : **PRELEVEMENT**
- **Format** : **N**
- **Définition** :

Identifiant unique du prélèvement effectué sur le lieu de surveillance. Il est fourni par le producteur des données.

## VI.9.Commentaire de l'analyse

- **Nom de balise XML** : <sa\_eli:ComAna>
- **Nom de la classe** : **ANALYSE**
- **Format** : **I**
- **Définition** :

Information précisant les conditions dans lesquelles sont effectuées l'analyse ou apportant un complément d'information sur le résultat de l'analyse.



## VI.10. Commentaire de l'analyse sur taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ComAnaTax>
- **Nom de la classe :** ANALYSE SUR TAXON
- **Format :** [I](#)
- **Définition :**

Information précisant les conditions dans lesquelles sont effectuées l'analyse sur taxon ou apportant un complément d'information sur le résultat de l'analyse.

## VI.11. Commentaire de l'échantillon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ComEchant>
- **Nom de la classe :** ECHANTILLON
- **Format :** [I](#)
- **Définition :**

Information précisant les conditions dans lesquelles sont effectuées les observations et/ou des mesures de l'échantillon.

## VI.12. Commentaire de la qualification de l'analyse sur taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ComQualAnaTax>
- **Nom de la classe :** ANALYSE SUR TAXON
- **Format :** [I](#)
- **Définition :**

Information complémentaire relative au niveau de qualification de l'analyse du taxon. Lorsque le niveau de qualification est mauvais, cette information doit être renseignée.

## VI.13. Commentaire de la qualification du résultat d'analyse

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ComQualAna>
- **Nom de la classe :** ANALYSE
- **Format :** [I](#)
- **Définition :**

Information complémentaire relative au niveau de qualification de l'analyse. Lorsque le niveau de qualification est mauvais, cette information doit être renseignée.

## VI.14. Commentaire du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ComPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** [I](#)
- **Définition :**

Information précisant les conditions dans lesquelles sont effectuées les observations et/ou des mesures du passage ; elles peuvent être d'ordre météorologique par exemple.

## VI.15. Commentaire sur la qualification de l'échantillon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ComQualifEchant>
- **Nom de la classe :** ECHANTILLON
- **Format :** [I](#)
- **Définition :**

Information complémentaire relative au niveau de qualification de l'échantillon. Lorsque le niveau de qualification de l'échantillon est mauvais, cette information doit être renseignée.

## VI.16. Commentaire sur la qualification du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ComQualifPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** [I](#)
- **Définition :**

Information complémentaire relative à la qualification du passage. Lorsque le niveau de qualification du passage est mauvais, cette information doit être renseignée.

## VI.17. Commentaire sur prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ComPrelev>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** [I](#)
- **Définition :**

Information précisant les conditions dans lesquelles sont effectuées les observations et/ou des mesures du prélèvement.

## VI.18.Commentaire sur qualification du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ComQualifPrel>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** T
- **Définition :**

Information complémentaire relative à la qualification du prélèvement. Lorsque le niveau de qualification du prélèvement est mauvais, cette information doit être renseignée.

## VI.19.Coordonnée X du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:CordXPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** N
- **Définition :**

Nombre X qui détermine la position horizontale "abscisse" du passage dans un plan, selon la projection indiquée. Par convention, celle-ci est exprimée selon la projection WGS 84 géographique avec la précision maximale du mètre.

## VI.20.Coordonnée X du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:CordXPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** N
- **Définition :**

Nombre X qui détermine la position horizontale "abscisse" du prélèvement dans un plan, selon la projection indiquée. Par convention, celle-ci est exprimée selon la projection WGS 84 géographique avec la précision maximale du mètre.

## VI.21.Coordonnée Y du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:CordYPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** N
- **Définition :**

Nombre Y qui détermine la position verticale "ordonnée" du passage dans un plan, selon la projection indiquée. Par convention, celle-ci est exprimée selon la projection WGS 84 géographique avec la précision maximale du mètre.

## VI.22.Coordonnée Y du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:CordYPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** [N](#)
- **Définition :**

Nombre Y qui détermine la position verticale "ordonnée" du prélèvement dans un plan, selon la projection indiquée. Par convention, celle-ci est exprimée selon la projection WGS 84 géographique avec la précision maximale du mètre.

## VI.23.Date de contrôle de l'analyse

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtCtrlAna>
- **Nom de la classe :** ANALYSE
- **Format :** [D](#)
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année d'impression du rapport de contrôle des informations de l'analyse de la banque nationale du réseau littoral de surveillance "Quadrigé" gérée par l'Ifremer.

## VI.24.Date de contrôle de l'analyse sur taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtCtrlAnaTax>
- **Nom de la classe :** ANALYSE SUR TAXON
- **Format :** [D](#)
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année d'impression du rapport de contrôle des informations de l'analyse sur taxon de la banque nationale du réseau littoral de surveillance "Quadrigé" gérée par l'Ifremer.

## VI.25.Date de contrôle de l'échantillon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtCtrlEchant>
- **Nom de la classe :** ECHANTILLON
- **Format :** [D](#)
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année d'impression du rapport de contrôle des informations de l'échantillon du prélèvement de la banque nationale du réseau littoral de surveillance "Quadrigé" gérée par l'Ifremer.

## VI.26.Date de contrôle du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtCtrlPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** [D](#)
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année d'impression du rapport de contrôle des informations du passage de la banque nationale du réseau littoral de surveillance "Quadrige" gérée par l'Ifremer.

## VI.27.Date de contrôle du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtCtrlPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** [D](#)
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année d'impression du rapport de contrôle des informations du prélèvement de la banque nationale du réseau littoral de surveillance "Quadrige" gérée par l'Ifremer.

## VI.28.Date de qualification de l'analyse sur taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtQualifAnaTax>
- **Nom de la classe :** ANALYSE SUR TAXON
- **Format :** [D](#)
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année de qualification des informations descriptives de l'analyse sur taxon.

## VI.29.Date de qualification de l'échantillon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DatQualifEchant>
- **Nom de la classe :** ECHANTILLON
- **Format :** [D](#)
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année de qualification des informations descriptives de l'échantillon.

## VI.30.Date de qualification du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtQualPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** D
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année de qualification des informations descriptives du passage.

## VI.31.Date de qualification du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtQualifPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** D
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année de qualification des informations descriptives du prélèvement.

## VI.32.Date de qualification du résultat d'analyse

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtQualifAna>
- **Nom de la classe :** ANALYSE
- **Format :** D
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année de qualification des informations descriptives de l'analyse.

## VI.33.Date de validation de l'analyse

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtValidAna>
- **Nom de la classe :** ANALYSE
- **Format :** D
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année de validation des observations et/ou des mesures effectuées par le/les producteur(s) de données. Elle est renseignée lorsque les observations et/ou mesures saisies dans la banque nationale du réseau littoral de surveillance "Quadrige" gérée par l'Ifremer correspondent à celles réellement effectuées.

## VI.34.Date de validation de l'analyse du taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtValidAnaTax>
- **Nom de la classe :** ANALYSE SUR TAXON
- **Format :** D
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année de validation des observations et/ou des mesures effectuées par le/les producteur(s) de données. Elle est renseignée lorsque les observations et/ou mesures saisies dans la banque nationale du réseau littoral de surveillance "Quadrige" gérée par l'Ifremer correspondent à celles réellement effectuées.

## VI.35.Date de validation de l'échantillon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtValidEchant>
- **Nom de la classe :** ECHANTILLON
- **Format :** D
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année de validation des observations et/ou des mesures effectuées par le/les producteur(s) de données. Elle est renseignée lorsque les observations et/ou mesures saisies dans la banque nationale du réseau littoral de surveillance "Quadrige" gérée par l'Ifremer correspondent à celles réellement effectuées.

## VI.36.Date de validation du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtValidPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** D
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année de validation des observations et/ou des mesures effectuées par le/les producteur(s) de données. Elle est renseignée lorsque les observations et/ou mesures saisies dans la banque nationale du réseau littoral de surveillance "Quadrige" gérée par l'Ifremer correspondent à celles réellement effectuées.

## VI.37.Date de validation du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtValidPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** D
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année de validation des observations et/ou des mesures effectuées par le/les producteur(s) de données. Elle est renseignée lorsque les observations et/ou mesures saisies dans la banque nationale du réseau littoral de surveillance "Quadrigé" gérée par l'Ifremer correspondent à celles réellement effectuées.

## VI.38.Date du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:DtPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** D
- **Définition :**

Indication du jour, du mois et de l'année du passage sur le lieu de surveillance. Cette information correspond à la date de déroulement du passage.

## VI.39.Ecart TU de l'heure du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:EcarHrPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** N
- **Définition :**

Intervalle, exprimé en heure, qui sépare l'heure du temps universel et l'heure du passage sur le lieu de surveillance - dans l'intervalle [-12;12].

## VI.40.Ecart TU de l'heure du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:EcarTUHrPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** N
- **Définition :**

Intervalle, exprimé en heure, qui sépare l'heure du temps universel et l'heure de prélèvement sur le lieu de surveillance - dans l'intervalle [-12;12].



## VI.41.Géométrie du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:GeoPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** I
- **Définition :**

Indication de la géométrie du passage sur le lieu de surveillance. Elle prend la valeur Vrai si la géométrie du passage est différente de celle du lieu de surveillance.

## VI.42.Géométrie du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:GeoPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** I
- **Définition :**

Indication de la géométrie du prélèvement sur le lieu de surveillance. Elle prend la valeur Vrai si la géométrie du prélèvement est différente de celle du passage.

## VI.43.Grandeur observée de l'échantillon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:GrdEchant>
- **Nom de la classe :** ECHANTILLON
- **Format :** C
- **Longueur :** 25
- **Définition :**

Grandeur observée de l'échantillon. Elle peut être un volume ou une surface lorsque par exemple la partie extraite provient d'un réceptacle dédié à l'échantillon. Dans certains cas, elle est une simple longueur. Elle prend les valeurs possibles définies par le Sandre dans la nomenclature n°601. cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:601:::referentiel:3.1:html>

## VI.44.Grandeur observée du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:GrdPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** C
- **Longueur :** 25
- **Définition :**

Grandeur observée du prélèvement. Elle peut être un volume ou une surface lorsque par exemple la partie extraite provient d'un réceptacle dédié au prélèvement. Dans certains cas, elle est une simple longueur. Elle prend les valeurs possibles définies par le Sandre dans la nomenclature n°601. cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:601:::referentiel:3.1:html>

## VI.45.Heure du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:HrPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** [H](#)
- **Définition :**

Indication en heure, minute et seconde du passage sur le lieu de surveillance. Cette information, exprimée en TU, correspond à l'heure de déroulement du passage.

## VI.46.Heure du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:HrPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** [H](#)
- **Définition :**

Indication en heure, minute et seconde de réalisation du prélèvement par le préleveur sur le lieu de surveillance. Cette information correspond à l'heure de déroulement du prélèvement.

## VI.47.Mnémonique de l'échantillon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:MnEchant>
- **Nom de la classe :** ECHANTILLON
- **Format :** [C](#)
- **Longueur maximale :** 50
- **Définition :**

Nom commun donné à l'échantillon du prélèvement.

## VI.48.Mnémonique du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:MnPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** [C](#)
- **Longueur maximale :** 50
- **Définition :**

Nom donné au passage sur le lieu de surveillance. Il s'agit généralement d'une suite de mots clefs connus du préleveur permettant d'identifier le passage.

## VI.49.Mnémonique du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:MnPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** C
- **Longueur maximale :** 150
- **Définition :**

Nom donné au prélèvement. Il s'agit généralement d'une suite de mots clefs connus du préleveur permettant d'identifier le prélèvement.

## VI.50.Niveau du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:NivPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** C
- **Longueur :** 25
- **Définition :**

Appréciation du degré d'élévation du prélèvement ou de la profondeur du prélèvement. Les différents niveaux de profondeur figurent dans une liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°600. cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:202:::referentiel:3.1.html>

## VI.51.Nombre d'individus de l'échantillon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:NblndivEchant>
- **Nom de la classe :** ECHANTILLON
- **Format :** N
- **Définition :**

Nombre d'individus d'un même taxon ou d'un regroupement de taxons (dont la liste de taxons est indéfinie) présents dans l'échantillon.

## VI.52.Nombre d'individus du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:NblndivPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** N
- **Définition :**

Nombre d'individus extraits du passage dont certains font l'objet d'échantillons sur taxons ou regroupements de taxons.

## VI.53. Nombre d'individus du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:NbIndivPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** [N](#)
- **Définition :**

Nombre d'individus extraits du prélèvement dont certains font l'objet d'échantillons sur taxons ou regroupements de taxons.

## VI.54. Nombre de chiffres après la virgule du résultat d'analyse

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:NbVirgAna>
- **Nom de la classe :** ANALYSE
- **Format :** [N](#)
- **Définition :**

Nombre de chiffres après la virgule appliqué au résultat de l'analyse.

## VI.55. Nombre de chiffres après la virgule du résultat de l'analyse sur taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:NbVirgAnaTax>
- **Nom de la classe :** ANALYSE SUR TAXON
- **Format :** [N](#)
- **Définition :**

Nombre de chiffres après la virgule appliqué au résultat de l'analyse sur taxon.

## VI.56. Numéro de l'individu de l'analyse

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:nIndAna>
- **Nom de la classe :** ANALYSE
- **Format :** [N](#)
- **Définition :**

Le numéro de l'individu mesuré pour les résultats ayant plusieurs individus

## VI.57. Numéro de l'individu de l'analyse sur taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:nIndAnaTax>
- **Nom de la classe :** ANALYSE SUR TAXON
- **Format :** H
- **Définition :**

Le numéro de l'individu mesuré pour les résultats ayant plusieurs individus

## VI.58. Qualification de l'analyse sur taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:QualifAnaTax>
- **Nom de la classe :** ANALYSE SUR TAXON
- **Format :** C
- **Longueur :** 25
- **Définition :**

Niveau de qualité, déterminé à l'aide d'un qualificatif, des informations descriptives de l'analyse sur taxon. Les différentes qualifications figurent dans la liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°599. cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:599:.....referentiel:3.1.html>

## VI.59. Qualification de l'échantillon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:QualifEchant>
- **Nom de la classe :** ECHANTILLON
- **Format :** C
- **Longueur :** 25
- **Définition :**

Niveau de qualité, déterminé à l'aide d'un qualificatif, des informations descriptives de l'échantillon. Les différentes qualifications figurent dans la liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°599. cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:599:.....referentiel:3.1.html>

## VI.60. Qualification du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:QualifPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** C
- **Longueur :** 25
- **Définition :**

Niveau de qualité, déterminé à l'aide d'un qualificatif, des informations descriptives du passage. Les différentes qualifications figurent dans la liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°599. cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:599:.....referentiel:3.1.html>

## VI.61. Qualification du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:QualifPrel>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** C
- **Longueur :** 25
- **Définition :**

Niveau de qualité, déterminé à l'aide d'un qualificatif, des informations descriptives du prélèvement. Les différentes qualifications figurent dans la liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°599. cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:599::::::referentiel:3.1.html>

## VI.62. Qualification du résultat d'analyse

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:QualifAna>
- **Nom de la classe :** ANALYSE
- **Format :** C
- **Longueur :** 25
- **Définition :**

Niveau de qualité, déterminé à l'aide d'un qualificatif, des informations descriptives de l'analyse. Les différentes qualifications figurent dans la liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°599. cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:599::::::referentiel:3.1.html>

## VI.63. Résultat d'analyse

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ResAna>
- **Nom de la classe :** ANALYSE
- **Format :** N
- **Définition :**

Valeur du résultat du paramètre mesuré, exprimé selon l'unité choisie, de l'analyse. Elle est fournie par l'organisme chargé de l'analyse sous la responsabilité de l'organisme producteur de données.

## VI.64. Résultat de l'analyse sur taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ResAnaTax>
- **Nom de la classe :** ANALYSE SUR TAXON
- **Format :** N
- **Définition :**

Valeur du résultat du paramètre mesuré, exprimé selon l'unité choisie, de l'analyse sur taxon. Elle est fournie par l'organisme chargé de l'analyse sous la responsabilité de l'organisme producteur de données.

## VI.65. Résultat de la grandeur de l'échantillon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ResuGrdEchant>
- **Nom de la classe :** ECHANTILLON
- **Format :** N
- **Définition :**

Résultat, exprimé selon l'unité choisie, de la grandeur observée de l'échantillon.

## VI.66. Résultat de la grandeur du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ResuGrdPrelv>
- **Nom de la classe :** PRELEVEMENT
- **Format :** N
- **Définition :**

Résultat, exprimé selon l'unité choisie, de la grandeur observée de la partie extraite représentative du milieu.

## VI.67. Résultat de la profondeur au passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:ResuProfPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** N
- **Définition :**

Résultat de la mesure de la profondeur de l'eau, exprimé selon l'unité choisie, effectuée avec un sondeur bathymétrique lors du passage sur le lieu de surveillance.

## VI.68. Type d'acquisition des coordonnées XY du passage

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:TypAcqPasg>
- **Nom de la classe :** PASSAGE
- **Format :** C
- **Longueur :** 25
- **Définition :**

Manière dont les coordonnées (X,Y) du passage sont acquises. Les différents types d'acquisition des coordonnées figurent dans une liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°598.

cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:598:::referentiel:3.1:html>

## VI.69.Type d'acquisition des coordonnées XY du prélèvement

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:TypCordPrelv>
- **Nom de la classe :** **PRELEVEMENT**
- **Format :** **C**
- **Longueur :** **25**
- **Définition :**

Manière dont les coordonnées (X,Y) du prélèvement sont acquises. Les différents types d'acquisition des coordonnées figurent dans une liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°598. cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:598:::referentiel:3.1.html>

## VI.70.Type de précision du résultat d'analyse

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:TypPrecAna>
- **Nom de la classe :** **ANALYSE**
- **Format :** **C**
- **Longueur :** **25**
- **Définition :**

Niveau de précision apporté au résultat de l'analyse. Les différents types de précision figurent dans la liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°602.

cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:602:::referentiel:3.1.html>

## VI.71.Type de précision du résultat de l'analyse sur taxon

- **Nom de balise XML :** <sa\_eli:TypPrecAnaTax>
- **Nom de la classe :** **ANALYSE SUR TAXON**
- **Format :** **C**
- **Longueur :** **25**
- **Définition :**

Niveau de précision apporté au résultat de l'analyse sur taxon. Les différents types de précision figurent dans la liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°602.

cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:602:::referentiel:3.1.html>



## VI.72.Type de projection des coordonnées XY du passage

- Nom de balise XML : <sa\_eli:ProjCordPasg>
- Nom de la classe : **PASSAGE**
- Format : **C**
- Longueur : 25
- Définition :

Espace de référence dans lequel les coordonnées (X,Y) du passage sont projetées. Les différents types de projections figurent dans la liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°22.

cf <http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:22:::referentiel:3.1:html>

## VI.73.Type de projection des coordonnées XY du prélèvement

- Nom de balise XML : <sa\_eli:ProjCordPrelv>
- Nom de la classe : **PRELEVEMENT**
- Format : **C**
- Longueur : 25
- Définition :

Espace de référence dans lequel les coordonnées (X,Y) du prélèvement sont projetées. Les différents types de projections figurent dans la liste administrée par le Sandre définie dans la nomenclature n°22. cf

<http://www.sandre.eaufrance.fr/?urn=urn:sandre:donnees:22:::referentiel:3.1:html>

## VI.74.Valeur de la précision du résultat d'analyse

- Nom de balise XML : <sa\_eli:ValPrecAna>
- Nom de la classe : **ANALYSE**
- Format : **N**
- Définition :

Nombre exprimant l'incertitude du résultat de l'analyse selon le type de précision du résultat choisi : exemple : 5 % (précision=5, type de précision=%).

## VI.75.Valeur de la précision du résultat de l'analyse sur taxon

- Nom de balise XML : <sa\_eli:ValPrecAnaTax>
- Nom de la classe : **ANALYSE SUR TAXON**
- Format : **N**
- Définition :

Nombre exprimant l'incertitude du résultat de l'analyse selon le type de précision du résultat choisi : exemple : 5 % (précision=5, type de précision=%).